# Erratum relatif au mémoire de Valentine Potten (Biol4V)

### Corrections relatives au fond:

(page 3 : section 1.1., 3<sup>ème</sup> paragraphe)

Outre le pouvoir inhibiteur vis à vis du Sarcome 180, *P. fraxinea* possède des métabolites capables de lutter contre la coccidiose et certaines tumeurs. Cet effet a été observé sur la souris et le poulet [Dalloul & *al.*, 2006]. D'autre part, il possède des protéases à activité fibrinolytique capables de prévenir les thromboses et autres maladies cardio-vasculaires [Lee & *al.*, 2006].

(page 8 : section 1.3.2.1., 1<sup>er</sup> paragraphe)

Le terme sexualité tétrapolaire n'est utilisé que pour les mycètes mais le phénomène d'incompatibilité est similaire à celui du règne des végétaux.

(page 34 : 1<sup>er</sup> paragraphe)

Le terme "détroit de Béring" ne peut s'appliquer à la période du Crétacé. Les continents étaient en contact direct les uns avec les autres. Les études menées sur le pollen fossile témoignent de ce lien direct et non d'une migration durant les glaciations.

#### Noms d'auteurs :

(page 1: section 1.1)

Polyporales Gäum

Fraxinus spp. Tourn. ex L.

Juglans spp. L.

Robinia pseudoacacia L.

Fagus spp. L. (et non Fagus sylvatica spp.)

Prunus spp. L.

Quercus spp. L.

Salix spp. L.

Ulmus spp. L.

(page 5 : section 1.2.1., 1<sup>er</sup> paragraphe de la page)

Boletus Fr.

Fomes fraxineus (Bull. Per Fr.) Cooke sensu Lloyd

Fomitopsis fraxineus = Fomitopsis cytisinus (Berk.) Bond & S.

(page 31, 3ème paragraphe)

Castanea Miller

(page 33)

Grifola frondosa (Dicks.) Gray

Schizophyllum commune Fr.

Xerula furfuracea (Peck) Redhead, Ginns & Shoemaker

### Fautes d'orthographe ou de grammaire :

```
(page 3 : section 1.1, 1<sup>er</sup> paragraphe de la page)
```

« Figure 2 ci-dessus » (et non « figure 2 ci-dessous »)

```
(page 8 : section 1.3.2.1., 3<sup>ème</sup> paragraphe)
```

ligne 3: « ...populations qui peuvent se reproduire entre elles... » (et non « entre eux »).

(page 10 : section 1.3.4.)

(3<sup>ème</sup> ligne) Gray et non Graya

```
(page 16: section 3.4.6.)
kit de purification (et non d'extraction)

(page 24, 3ème ligne)
marqueurs (et non marquers)

(page 27, 7ème ligne)
varie (et non varient)

(page 31: dernière ligne du 2ème paragraphe)
« ces résultats montrent » (et non « montre »)

(page 38: pargraphe 2, 6ème ligne)
« phylogénie riche en information » (et non pas « riches »)

(page 43: (tableau))
« Citrus sp. » en italique

(page 51: Annexe 8)

Kit de purification (et non d'extraction)

Point 1: lire « ...les Eppendorf correspondant aux souches... »
```

## **Bibliographie**

(page 6 : Section 1.3.1.)

Les noms Smith et Singer devraient apparaître entre parenthèses et non entre crochets (c'est une citation à partir du texte de Peterson & Hughues, 2007 et non une référence à leurs ouvrages)

(dans la discussion)

Les informations issues du livre de Graham (1999) proviennent du papier de Lickey & al. (2002) et non de son propre ouvrage.

À rajouter dans la bibliographie (= auteurs cités dans le matériel & méthode)

- THOMPSON J. HIGGINS D. & GIBSON T. 1994. "CLUSTAL W: improving the sensitivity of progressive multiple sequence alignment through sequence weighting, position-specific gap penalties and weight matrix choice". Nucleic Acids Res., Vol. 22, p. 4673 - 4680.
- SYMOENS F., BOUCHARA J.-P., HEINEMANN S. & NOLARD N. 2000 "Molecular typing of Aspergillus terreus isolates by random amplification of polymorphic DNA". *Journal of Hospital Infection*, Vol. 44, p. 273 280.
- WHITE T. J., BRUNS T., LEE S. & TAYLOR J.W. 1990. "Amplification and direct sequencing of fungal ribosomal RNA genes for phylogenetics *In M. Innis, D. Gelfand, J. Sninsky, and T. White [eds.], PCR protocols: a guide to methods and applications,* p. 315–322.
- MAPHOSA L., WINGFIELD B. D., COETZEE M. P. A., MWENJE E. & WINGFIELD M. J. 2006. "Phylogenetic relationships among *Armillaria* species inferred from partial elongation factor 1-alpha DNA sequence data". *Australasian Plant Pathology*, Vol. 35, p. 513 520.
- VILGALYS R. & HESTER M. 1990. "Rapid Genetic Identification and Mapping of Enzymatically Amplified Ribosomal DNA from several Cryptococcus Species". *Journal of Bacteriology*, Vol. 172, n°8, p. 4238 4246.
- MATHENY P. B. 2006. "PCR primers to amplify and sequence rpb2 (RNA polymerase II second largest subunit) in the Basidiomycota (Fungi)". Hibbett Lab (http://www.clarku.edu/faculty/dhibbett/).